**植物遺伝子材料（cDNA等）データシート**

1. リソースの名称：
2. 由来する生物種名（該当する場合のみ、和名があれば併記）：
3. 由来する器官・組織（該当する場合のみ）：
4. Accession No.：（NCBI Gene IDなどを記載）
5. クローニングベクター名：
6. クローニングベクター上への挿入位置：（制限酵素サイトなど）
7. 大腸菌での選抜マーカー情報：
8. 当該遺伝子材料に関わる文献（DOI・PMID・URLのみでも可）：
9. 寄託時の送付形状：（プラスミドDNA/大腸菌クローンなどと記載）

大腸菌クローンの場合は大腸菌株情報（　　　　　　　　　）

1. 当該遺伝子材料の特性に関するコメント：

（CDS配列、プロモーター配列、GFPとの融合配列などと記載）

1. 当該遺伝子材料の作出方法：（例：PCRによる増幅断片をクローニング）

当該遺伝子材料（特にPCR増幅した際）の全長配列情報をお持ちの場合、別途、電子ファイル等にてお送り下さい。また、対象リソースが多数の場合、上記項目をリストにまとめ、エクセルの添付ファイルとしてお送りいただいて構いません。

---------------------------------------------------------------------------

* 本データシートはメールにてplant@brc.riken.jpへお送りください。